

MODELOS DE FIGURAS

Figura 1 - O Dddd de um pxxxx vcvcv cccc fvcde e regressão linear. O estudo foi realizado em um xxx experimental nvmkl na mndjdiop

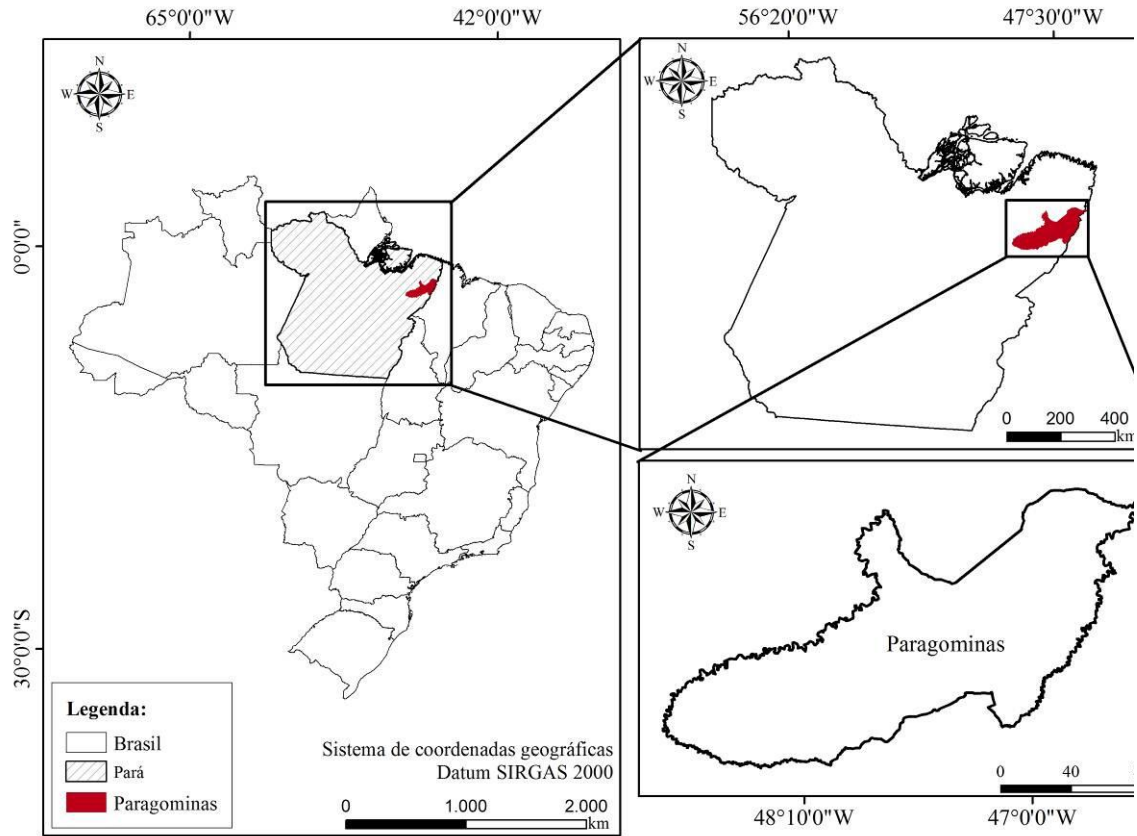
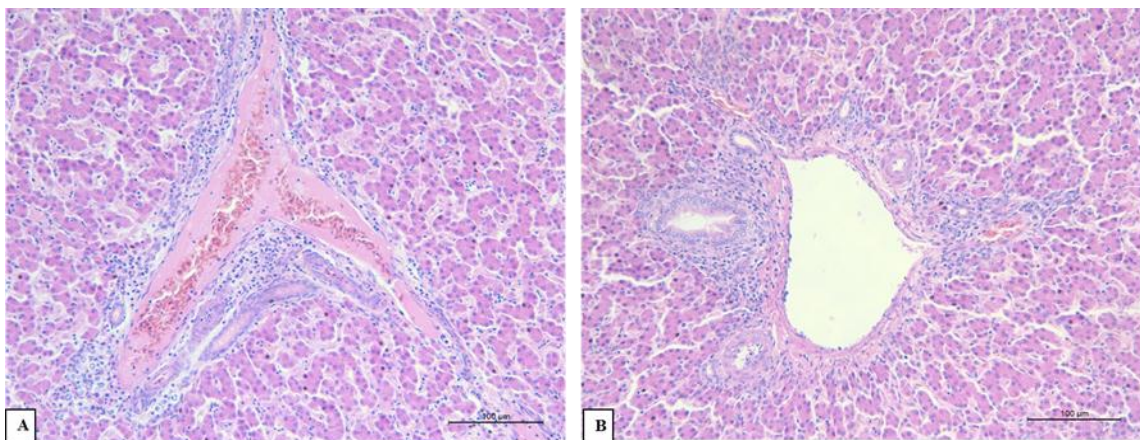
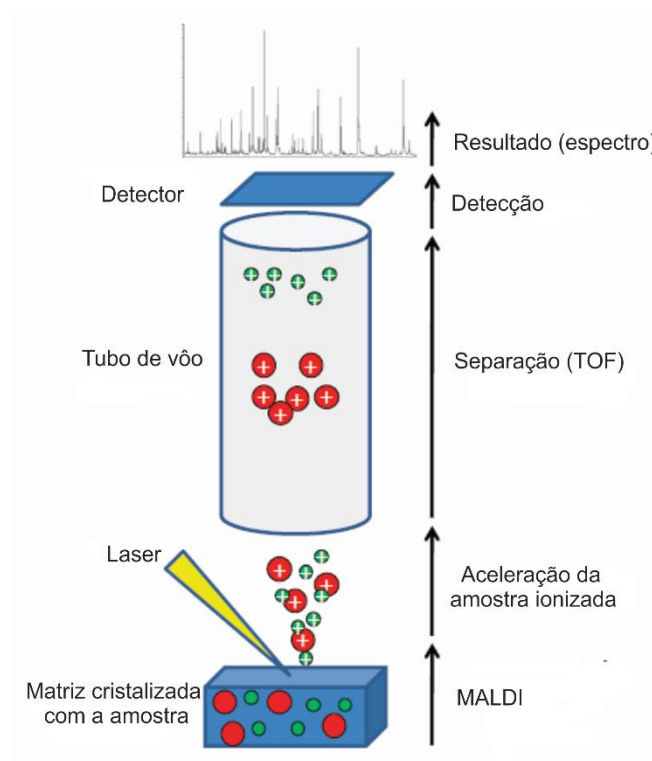


Figure 2 – Lesões de ccccc vvvvv xxxcccc ccccc vvvvv xxxcccc ccccc vvvvv xxxcccc



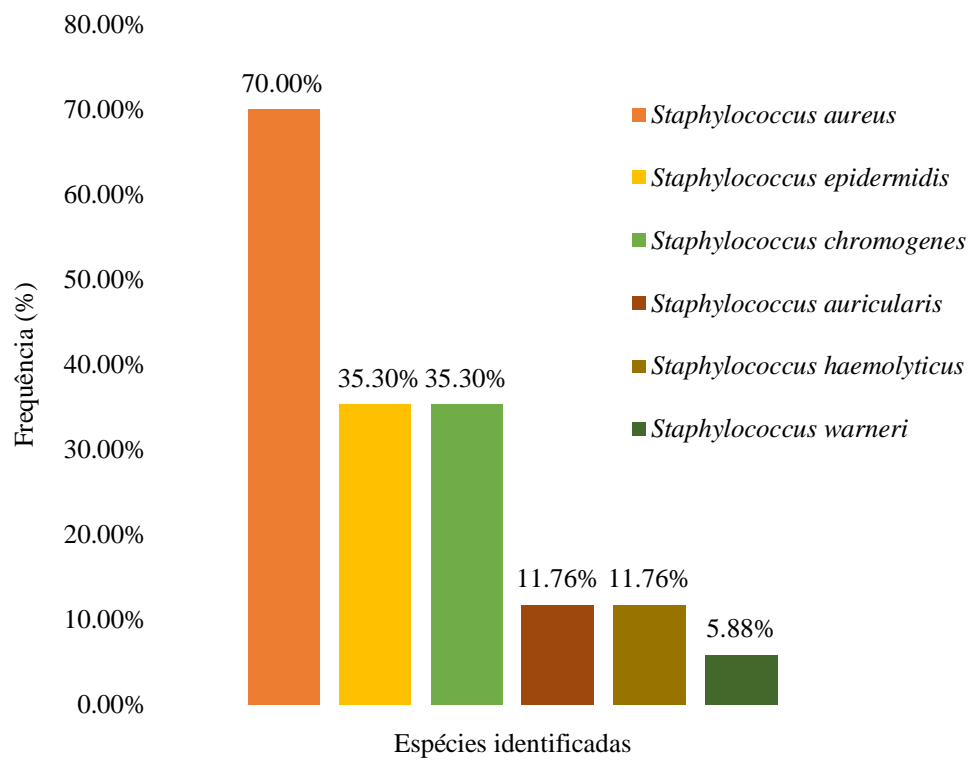
A – Infiltrado ccccc vvvvv . B – Fibroplasia. Coloração Hematoxilina-Eosin Barra = 100 μm.

Figura 2- Princípios de funcionamento de massas por (MALDI-TOF MS)



Fonte: Croxatto, Prod'Hom e Greub (2012).

Figura x- Frequência de espécies de vvvvvv bbbbbb nnnnn mmm(p> 0,05)



MODELOS DE TABELAS

Tabela X. Identificação dos clusters formados pela metodologia do agrupamento multivariado de curvas.

Identificação de origem		Identificação dos clusters	
		Capim limão	Alecrim pimenta
Municípios	Boc	1	1
	Icavv_Mvuv	2	2
	Janavv	2	1
	Povvuv	1	1
Fazendas	TR	1	1
	CA1	1	1
	CA2	1	1
	GU	1	1
	SL	3	1
	VA	4	1
	AG	2	2
	NP	1	1
	MU	2	2
	Perfil genotípico	D	2
K		3	1
A		1	1
B		4	1
E		4	1
S		1	2
U		3	2
T		1	2
V		5	3
N		2	1

Tabela xxx - O dddd de um pxxxx vcvv cccc fvdc e regressão linear. O estudo foi realizado em um xxxx experimental nvmkl na mndjdiop

XXXXXX	VVV	CVVV	RRR	CC, FA e ZZ
121 a 130	5	3	1	XXX/IIIIII
171 a 180	5	8	1	

Em que: CC: Camada de cama; FA: Feeee ammmm; ZZ: Zmmmm.

MODELOS DE EQUAÇÕES

$$RQME = \frac{100}{\bar{H}} \sqrt{\frac{\sum_{i=1}^n (H_i - \hat{H}_i)^2}{n}} \quad (\text{Eq. 1})$$

$$r_{H\hat{H}} = \frac{\text{cov}(H, \hat{H})}{\sqrt{s^2(H)s^2(\hat{H})}} \quad (\text{Eq. 2})$$

$$S_{yx} = \sqrt{\frac{\sum_{i=1}^n (H_i - \hat{H}_i)^2}{n - p}} \quad (\text{Eq. 3})$$

$$CV = \frac{s}{\bar{H}} * 100 \quad (\text{Eq. 4})$$

$$bk = \frac{\sum_{i=1}^n (\hat{H}_i - H_i)}{n} \quad (\text{Eq. 5})$$

$$F_{cal} = \frac{Qm \text{ regressão}}{Qm \text{ resíduo}} \quad (\text{Eq. 6})$$

$$R^2_{aj} = 1 - (1 - R^2) \times \frac{n-1}{n-p} \quad (\text{Eq. 7})$$

Em que: $\sum_{i=1}^n$ = somatório; H_i = altura observada; \hat{H}_i = altura prevista; n = número de amostras; \bar{H} = média das alturas; cov = covariância; s^2 = variância; s = desvio padrão; Qm = quadrado médio; R^2 = coeficiente de determinação; p = número de coeficientes do modelo.